

Beschrijving van de test

Panbacteriële identificatie via 16S

Beschrijving van de test

Naam:	Panbacteriële identificatie via 16S
Synoniemen:	sequencing bacteriën
Intern codenummer:	4A_16S voor lichaamsvochten, 4WBA_16S voor biopten
Frequentie:	1x per week
Uitvoerend labo:	Campus Rumbeke
Antwoordtijd (TAT):	2 weken
Verantwoordelijk bioloog:	Emmanuel De Laere

Afname van het materiaal

Voorkeur materiaal:	etter/vocht
Toegelaten materiaal:	Alle microbiologische recipiënten worden aanvaard indien klinisch aangewezen, inclusief hemoculturen.
Volume:	NVT
Aanvraagformulier:	Aanvraagformulieren
Afnameinstructies:	Afname instructies
Bijaanvraag/stabiliteit:	7 dagen

Analyse

Analysemethode:	Kweekmethode
Domein:	Algemene en Moleculaire Microbiologie
Bijkomende informatie:	Het identificeren van de gekweekte bacterie gebeurt aan de hand van een PCR reactie gevolgd door een sequentiebepaling.

Het bacterieel DNA wordt geïsoleerd uit reïnculturen van de te identificeren bacterie. Door de primers te richten op de geconserveerde regio's van het 16S rRNA gen, ontwikkelt men een PCR die het 16S rRNA gen van om het even welke bacterie kan amplificeren (universele PCR). De verschillen tussen verschillende soorten bacteriën zitten in de nucleotiden

opeenvolging van de tussenzones. Na PCR-analyse worden DNA-fragmenten van ongeveer 900bp verkregen die vervolgens worden gesequenced. Door vergelijking van de bekomen sequentie met een publieke databank van 16S rRNA gensequenties, kan het genotype achterhaald worden.

Laatst gewijzigd op

27-01-2026

Emmanuel De Laere

Copyright © 2026 All rights reserved.