

### TR genherschikking bij verdachte lymfoproliferaties (acuut en chronisch)

#### Beschrijving van de test

Naam:	TR genherschikking bij verdachte lymfoproliferaties (acuut en chronisch)
Synoniemen:	TCR, TR_chron_diag; TR_chron_FU; TR_acute_diag; TR_acute_FU
Intern codenummer:	5734 (chronisch diagnose); 5735 (chronisch follow-up); 5736 (acute diagnose); 5737 (acute follow-up)
Frequentie:	minimaal 1 x week
Uitvoerend labo:	Campus Rumbeke
Antwoordtijd (TAT):	21 dagen
Accreditatie:	AZ Delta is geaccrediteerd door BELAC onder certificaatnummer 382-MED.
Verantwoordelijk bioloog:	Barbara Depreter

#### Afname van het materiaal

Voorkeur materiaal:	staal voor moleculair onderzoek
Toegelaten materiaal:	Analyse kan uitgevoerd worden op EDTA-bloed, EDTA-beenmerg, lichaamsvochten, verse biopten (bij voorkeur in fysiologische oplossing), paraffine ingebed weefsel.
Commentaar:	Moleculaire testen kunnen op verschillende materialen uitgevoerd worden. Zie afnameprocedure.
Volume:	1 tube
Aanvraagformulier:	<a href="#">Aanvraagformulieren</a>
Afnameinstructies:	<a href="#">Afname instructies</a>
Bijaanvraag/stabiliteit:	96

#### Analyse

Analysemethode:	CMD-PCR Rumbeke
-----------------	-----------------

Domein:

Moleculaire Hematologie

Bijkomende informatie:

Met deze PCR techniek worden genherschikkingen opgespoord in de genen die coderen voor de T-cel receptor beta (TcR-B) en gamma (TcR-G) eiwitten aanwezig bij T-lymfocyten.

Voor TRB wordt er gebruik gemaakt van de gepubliceerde BIOMED/EuroClonality methode (van Dongen et al., Leukemia 2003) en voor TRG het meer recent geoptimaliseerde EuroClonality protocol (Armand et al., HemaSphere 2019).

Tijdens het uitrijpingsproces van T-cellen treedt op genomisch niveau een herschikking van het DNA op waarbij in iedere T-cel unieke stukjes DNA worden gevormd die zullen instaan voor de specifieke T-cel receptor eiwitten van deze T-cel.

Deze unieke stukjes DNA karakteriseren dus elke T-cel.

Met behulp van deze PCR-techniek kan het onderscheid gemaakt worden tussen een 'normale' polyclonale T-cel populatie (gekenmerkt door de aanwezigheid van verschillende PCR-producten) en een clonale T-cel populatie (gekenmerkt door de aanwezigheid van één of twee specifieke PCR-producten).

Op deze wijze kan clonaliteit aangetoond worden in > 95% van de clonale lymfocyten proliferaties aanwezig bij T-PLL, T-LGLL, PTCL NOS (vroegere PTCL-U), nTFHL-AI (vroegere AITL) en ALCL (Brüggeman et al., Leukemia 2007).

Clonale populaties worden ook teruggevonden bij alle andere T-cel lymfoma's of leukemiën zoals MF/SS en T-ALL/LBL maar eveneens bij T-cel proliferaties veroorzaakt door bijvoorbeeld een virale infectie of andere oorzaak (reactionele clonale populaties waarvan de betekenis niet duidelijk is (T-CUS)). Daarnaast worden soms ook cross-lineage genherschikkingen gezien (Report of the BIOMED-2 Concerted Action BHM4-CT98-3936 in Leukemia 2007, volume 21, issue 2 pag 201-237).

De aanwezigheid van een clonale populatie met herschikte T-cel receptor genen is dus wel suggestief voor, maar niet synoniem aan de aanwezigheid van een maligne T-cel proces. Resultaten dienen daarom steeds geïnterpreteerd te worden samen met klinische gegevens en pathologie en/of immunofenotypische resultaten.

**Laatst gewijzigd op**

09-04-2026

Sophie Deschryvere